

## Современные методы машинного обучения в прикладных задачах биоинформатики

Докладчик: Назар Бакназаров, ФКН ВШЭ



### Аннотация

Революции в биоинформатике, позволившие секвенировать геномы разных организмов с ранее невиданной скоростью, открыли человеку возможность собирать самую разную генетическую информацию, но некоторое время все методы, позволявшие использовать и изучать эти данные, оставались достаточно примитивными. Прорывы в машинном обучении со своей стороны позволили разработать методы и модели, которые могли бы обработать и обобщить все эти данные. На лекции я расскажу о нескольких таких прорывах и о том, как они смогут изменить окружающий нас мир.

