

## Популяционная генетика: от современных людей к неандертальцам

---

Владимир Щур, заведующий международной лабораторией статистической и вычислительной геномики ВШЭ



### Аннотация

Наши геномы хранят в себе историю десятков тысяч поколений от близких родственных связей до дальних общих предков, живших миллионы лет назад. В докладе я расскажу о двух задачах популяционной генетики, оперирующих разным масштабом времени. Первая задача — оценка числа близких родственников в большой выборке из популяции и её связь с задержанием серийного маньяка из Калифорнии. Вторая задача — поиск участков генома, унаследованных современной человеческой популяцией от древних людей (неандертальцев и денисовцев), при помощи скрытой марковской модели с двумя источниками информации — известными геномами неандертальцев и современной перемешанной внешней популяции (африканцев).

